

To: [redacted] 5.1.2e [redacted] 5.1.2e @minvws.nl]
From: [redacted] 5.1.2e
Sent: Wed 2/26/2020 12:13:48 PM
Subject: RE: Antw: Chinees onderzoek SARS-related coronaviruses in humanized mice
Received: Wed 2/26/2020 12:13:48 PM

Nee geen antwoord van [redacted] 5.1.2e gehad.. groet [redacted] 5.1.2e

From: [redacted] 5.1.2e <[redacted] 5.1.2e @minvws.nl>
Sent: woensdag 26 februari 2020 13:06
To: [redacted] 5.1.2e <[redacted] 5.1.2e @rivm.nl>
Subject: RE: Antw: Chinees onderzoek SARS-related coronaviruses in humanized mice

Dank [redacted] 5.1.2e ik neem aan dat je niets meer van [redacted] 5.1.2e hebt gehoord? Ik zal de mail van meneer [redacted] 5.1.2e beantwoorden en aangeven dat er contact met jullie is geweest hierover.

Groet!

[redacted] 5.1.2e

Van: [redacted] 5.1.2e <[redacted] 5.1.2e @rivm.nl>
Verzonden: woensdag 26 februari 2020 12:38
Aan: [redacted] 5.1.2e <[redacted] 5.1.2e @minvws.nl>
Onderwerp: FW: Antw: Chinees onderzoek SARS-related coronaviruses in humanized mice

Dit heb ik [redacted] 5.1.2e zondag geantwoord.

Vriendelijke groet,

[redacted] 5.1.2e

From: [redacted] 5.1.2e
Sent: zondag 23 februari 2020 23:03
To: [redacted] 5.1.2e <[redacted] 5.1.2e @minvws.nl>
Subject: FW: Antw: Chinees onderzoek SARS-related coronaviruses in humanized mice

Ha [redacted] 5.1.2e

Nog een mail die openstond..
Info is idd niet vernieuwend. Je voorstel voor een mail is akkoord.

Groet [redacted] 5.1.2e

From: [redacted] 5.1.2e <[redacted] 5.1.2e @rivm.nl>
Sent: vrijdag 14 februari 2020 16:58
To: [redacted] 5.1.2e <[redacted] 5.1.2e @rivm.nl>
Subject: Antw: Chinees onderzoek SARS-related coronaviruses in humanized mice

Hoi,

Het onderzoek dat hier beschreven wordt heeft iig geen aanleiding gegeven tot SARS-CoV-2. De backbone van dit virus is onbekend en dus niet gebaseerd op WIV-1.

Verder circuleren er veel verhalen dat het virus gemaakt is in het lab. Daar zijn tot nu toe geen aanwijzingen voor.

Ik heb bovenstaande ook geverifieerd bij [redacted] 5.1.2e van EMC.

Gr [redacted] 5.1.2e

Van: [redacted] 5.1.2e <[redacted] 5.1.2e @rivm.nl>
Datum: 14 februari 2020 om 11:31:17 CET
Aan: [redacted] 5.1.2e <[redacted] 5.1.2e @rivm.nl>

Onderwerp: FW: Chinees onderzoek SARS-related coronaviruses in humanized mice

Ha 5.1.2e

Kun/wil je een blik werpen op info in onderstaande mail? Wrsch jou allemaal bekend, dan kan ik VWS geruststellen.

Groet

5.1.2e

Van: 5.1.2e <5.1.2e@minvws.nl>

Datum: 14 februari 2020 om 09:06:25 CET

Aan: 5.1.2e <5.1.2e@rivm.nl>

CC: 5.1.2e <5.1.2e@minvws.nl>, 5.1.2e <5.1.2e@minvws.nl>, 5.1.2e <5.1.2e@minvws.nl>

Onderwerp: FW: Chinees onderzoek SARS-related coronaviruses in humanized mice

Ha 5.1.2e

Zie hieronder. Kunnen jullie beoordelen of deze mail nuttige info bevat?

Eens dat ik deze meneer dan meld dat ik de mail aan rivm heb doorgeleid en dat jullie contact zoeken mocht hier aanleiding voor zijn?

Groet 5.1.2e

Verzonden met BlackBerry Work

(www.blackberry.com)

Van: 5.1.2e <5.1.2e@datenna.com>

Datum: donderdag 13 feb. 2020 11:30 PM

Aan: 5.1.2e <5.1.2e@minvws.nl>

Onderwerp: Chinees onderzoek SARS-related coronaviruses in humanized mice

Geachte mevrouw 5.1.2e

Ik val met de deur in huis: indien virologen weten dat het virus man-made kan zijn, helpt dit met de bestrijding er van?

Ik had details van 5.1.2e via contacten bij RVO/EZK (die gaven al aan dat ze mogelijk al haar out-of-office aan zou hebben en dat bleek ook het geval). Als voormalig Nederlands diplomaat opereer ik tegenwoordig een data-bedrijf (Datenna) volledig gericht op China (we volgen al het onderzoek en industrie in China).

Het was al bekend dat China onderzoek deed naar corona-virussen op basis van journal publications, maar toch is het mogelijk zinvol om te weten dat met daar mee doorgegaan is (zie onder aan mail voor voorbeeld/uitleg in het Engels).

Gezien het track record van Chinese virologie labs (zelfs specifiek al eerder containment problemen met SARS), is het niet een heel gekke gedachte dat het weer mis gegaan is. Ik snap dat China, gezien de SARS geschiedenis, graag preventief onderzoek doet. Maar dat sluit niet uit dat er toch weer een menselijke fout gemaakt is.

Ik wil benadrukken dat wij *geen* oproer willen veroorzaken. Ook is het nadrukkelijk *niet* ons doel - en *niet* onze wens - om hiermee als bedrijf in het nieuws te komen. Ik wil enkel voorkomen dat ik over een maand denk: "Had ik het maar ergens gemeld." Het kan goed zijn dat de betrokken onderzoekers informatie achterhouden uit angst voor repercussies en dat we kostbare tijd verliezen die gebruikt kan worden om quarantaine maatregelen aan te scherpen en de ontwikkeling van een vaccin te versnellen. Mogelijk kunnen jullie bij de Chinese onderzoekers gericht vragen stellen en zo wel bepalen wat er mogelijk wel of niet fout gegaan is.

Ik hoop dus enkel dat een viroloog simpel even een blik kan werpen en zeggen of het wel of geen nuttige info is. Eventueel kunnen we (kosteloos) meer data uit ons data-platform leveren (of een tijdelijk account aanmaken) over recent onderzoek in China.

Groet,

5.1.2e

p.s. Ik heb ook bij een contact bij de Commissie aangeklopt, maar die is deze week nog op zakenreis. Ook uw collega 5.1.2e 5.1.2e heb ik gemaild alvorens ik uw email adres kreeg. Hierna ga ik geen mensen meer mailen, omdat onze informatie mogelijk ook een storm in een glas water is en ik onnodig mensen loop te belasten door ze te mailen.

Beschrijving (machine translated) van een van de onderzoeken gesubsidieerd en gestart aan de Wuhan Institute of Virology, CAS (looptijd 2019-2021):

Bats harbor genetically diverse SARS-related coronaviruses (SARSr-CoV). Recently, we have discovered two novel bat SARSr-CoVs, namely Rs4231 and Rs4874. These two strains share high sequence similarity with previously identified RsSHC014 and WIV1 in the receptor-binding domain (RBD) of spike protein, respectively, but are highly similar to SARS-CoV in the N-terminal domain, representing two novel genotypes. They have been demonstrated to be able to use the functional receptor of SARS-CoV, ACE2, and pose potential risk for cross-species infection. In the proposed project, we plan to construct two chimeric viruses with the backbone of SARSr-CoV WIV1 and the S gene of Rs4231 and Rs4874, respectively, and infect human ACE2-expressing transgenic mice to more accurately and intensively assess the risk of causing human diseases of the two newly identified SARSr-CoVs. The contribution of the variation in the S gene to the pathogenicity of SARSr-CoV will also be investigated. Besides, due to the failure of cross protection of the monoclonal antibodies for SARS-CoV against infection of SARSr-CoV RsSHC014, we will produce monoclonal antibodies for RsSHC014 RBD and test the neutralization effects to different SARSr-CoVs and the protection in humanized mice. The outcome of this study will lay foundation for the prevention and therapeutics of SARS-like coronavirus disease of bat origin.

5.1.2e

Email: 5.1.2e@datenna.com

Mobile (NL): 5.1.2e

LinkedIn: www.linkedin.com/in/jaapvanetten/

Datenna

China Industry & Innovation Intelligence

www.datenna.com

Office (NL)

Bogert 1, 2/F

5612LX, Eindhoven

Netherlands

This message contains confidential information and is intended only for the individual named. If you are not the named addressee you should not disseminate, distribute or copy this e-mail. Please notify the sender immediately by e-mail if you have received this e-mail by mistake and delete this e-mail from your system. E-mail transmission cannot be guaranteed to be secure or error-free as information could be intercepted, corrupted, lost, destroyed, arrive late or incomplete, or contain viruses. The sender therefore does not accept liability for any errors or omissions in the contents of this message, which arise as a result of e-mail transmission. Datenna is a registered trademark of Datenna Holding BV.

A pathogenic study of two new bat SARS-related coronaviruses on gen mice expressing human ACE2

两株新型蝙蝠SARS相关冠状病毒对表达人ACE2的转基因小鼠的致病性研究

Overview Publications

Overview

Funding amount: 5.1.1c
Keywords: 种间传染
Project code: 31800142
Funding program: Youth Science Fund Project
Sector: Animal Virology
Approval year: 2018
Research period: 2019 - 2021

Institute: ☆ Wuhan Institute of Virology, CAS
Researchers: 5.1.2e
Abstract:

Bats harbor genetically diverse SARS-related coronaviruses (SARSr-CoV). Recently, we have discovered namely Rs4231 and Rs4874. These two strains share high sequence similarity with previously identified receptor-binding domain (RBD) of spike protein, respectively, but are highly similar to SARS-CoV in the representing two novel genotypes. They have been demonstrated to be able to use the functional receptor-potential risk for cross-species infection. In the proposed project, we plan to construct two chimeras of SARSr-CoV WIV1 and the S gene of Rs4231 and Rs4874, respectively, and infect human ACE2-expressing mice. We will accurately and intensively assess the risk of causing human diseases of the two newly identified SARSr-CoV variations. The pathogenicity of SARSr-CoV will also be investigated. Besides, due to the lack of monoclonal antibodies for SARS-CoV against infection of SARSr-CoV RsSHC014, we will produce monoclonal antibodies against RsSHC014 RBD and test the neutralization effects to different SARSr-CoVs and the protection in human. This study will lay foundation for the prevention and therapeutics of SARS-like coronavirus disease of bats.

Publications

Title



Authors

No data available

Dit bericht kan informatie bevatten die niet voor u is bestemd. Indien u niet de geadresseerde bent of dit bericht abusievelijk aan u is verzonden, wordt u verzocht dat aan de afzender te melden en het bericht te verwijderen. Het RIVM aanvaardt geen aansprakelijkheid voor schade, van welke aard ook, die verband houdt met risico's verbonden aan het elektronisch verzenden van berichten.
www.rivm.nl *De zorg voor morgen begint vandaag*

This message may contain information that is not intended for you. If you are not the addressee or if this message was sent to you by mistake, you are requested to inform the sender and delete the message. RIVM accepts no liability for damage of any kind resulting from the risks inherent in the electronic transmission of messages.

www.rivm.nl/en *Committed to health and sustainability*