

To: [5.1.2e] [5.1.2e]@rivm.nl; [5.1.2e] [5.1.2e]@rivm.nl
Cc: [5.1.2e] [5.1.2e]@rivm.nl; [5.1.2e] [5.1.2e]@rivm.nl; [5.1.2e] [5.1.2e]@rivm.nl; [5.1.2e] [5.1.2e]@rivm.nl; [5.1.2e] [5.1.2e]@rivm.nl
From: LCI Voorwacht
Sent: Thur 4/1/2021 8:48:28 AM
Subject: RE: Doorst: update uitslag sequentie analyse BCO contacten van P1 variant
Received: Thur 4/1/2021 8:48:29 AM

Hoi [5.1.2e] en [5.1.2e]

Zie hieronder, jullie hebben gisteren de contacten gehad. Als ik wel iets moet doen hoor ik het wel.
 Groet, [5.1.2e]

Van: [5.1.2e] <[5.1.2e]@rivm.nl>
Verzonden: donderdag 1 april 2021 10:44
Aan: LCI Voorwacht <[5.1.2e]@rivm.nl>; [5.1.2e] <[5.1.2e]@rivm.nl>
CC: [5.1.2e] <[5.1.2e]@rivm.nl>; [5.1.2e] <[5.1.2e]@rivm.nl>; [5.1.2e] <[5.1.2e]@rivm.nl>
 <[5.1.2e]@rivm.nl>
Onderwerp: FW: Doorst: update uitslag sequentie analyse BCO contacten van P1 variant

Hoi [5.1.2e] ik begreep gisteren van [5.1.2e] dat jij hier al bij betrokken was. Zie de mailwisseling hieronder. Laten we in elk geval die monsters opvragen.

@ [5.1.2e] vast aangehaakt vanwege de optie grootschalig testen – moeten we niet lichtzinnig mee omgaan, maar dan ben je vast op de hoogte.

En dan morgen, met [5.1.2e] verder.

Groet, [5.1.2e]

From: [5.1.2e] <[5.1.2e]@rivm.nl>
Sent: donderdag 1 april 2021 10:24
To: [5.1.2e] <[5.1.2e]@rivm.nl>; [5.1.2e] <[5.1.2e]@rivm.nl>
Cc: [5.1.2e] <[5.1.2e]@rivm.nl>
Subject: Doorst: update uitslag sequentie analyse BCO contacten van P1 variant

Hoi [5.1.2e] en [5.1.2e]

Zie onderstaand bericht van [5.1.2e] n.a.v. de laatste updates van GGD Gelderland-Zuid gisteren aan het einde van dag.

Denk dat het een goed idee is e.a. verder in kaart te brengen door opvragen monsters door IDS.

Hoe hoog de incidentie in Maasdriel precies is weet ik niet. Maar de contactpersoon die [5.1.2e] sprak zei dat de incidentie daar hoger was en dat ze eerder al op zoek waren naar verklaringen hiervoor.

Wat denken jullie? Of ook GRT als in Lansingerland overwegen?

@ [5.1.2e] Als jullie het een goed idee vinden kun jij dan e.a. in overleg met GGD Gelderland-Zuid in gang zetten vandaag?

Groet,

[5.1.2e]

Van: [5.1.2e] <[5.1.2e]@rivm.nl>
Datum: 31 maart 2021 om 19:44:25 CEST
Aan: [5.1.2e] <[5.1.2e]@rivm.nl>
Onderwerp: RE: update uitslag sequentie analyse BCO contacten van P1 variant

Hoi,

Moeten we dan niet over gaan op actie? Monsters opvragen uit deze gemeente? Eea gaan mappen?

Gr 5.1.2e

From: 5.1.2e <5.1.2e@rivm.nl>
Sent: woensdag 31 maart 2021 17:29
To: 5.1.2e <5.1.2e@rivm.nl>; 5.1.2e <5.1.2e@rivm.nl>
Subject: FW: update uitslag sequentie analyse BCO contacten van P1 variant

Beste 5.1.2e en 5.1.2e

Ter info de informatie van GGD Gelderland-Zuid n.a.v de 5.1.2e van 5.1.2e
 De resultaten wijzen op vergaande transmissie van P1 in de omgeving Maasdriel. Een aantal personen zijn directe connecties, maar een deel ook niet of niet direct.
 GGD vertelde ook nog dat er een onverklaarbare hoge incidentie is in deze gemeente.

Groet,

5.1.2e

Van: 5.1.2e 5.1.2e <5.1.2e@ggdgelderlandzuid.nl>
Verzonden: woensdag 31 maart 2021 16:52
Aan: LCI Voorwacht <5.1.2e@rivm.nl>; 5.1.2e <5.1.2e@rivm.nl>; 5.1.2e <5.1.2e@rivm.nl>; 5.1.2e <5.1.2e@rivm.nl>; 5.1.2e <5.1.2e@ggdgelderlandzuid.nl>; 5.1.2e <5.1.2e@ggdgelderlandzuid.nl>
CC: 5.1.2e <5.1.2e@rivm.nl>
Onderwerp: RE: update uitslag sequentie analyse BCO contacten van P1 variant

Beste 5.1.2e en collega's,

In de bijlage de informatie over de gearceerde indexen.

2 (106C0176857, 8983C1091667) hebben een link met bedrijf HP 92463

2 (893C0155813, 893C0156109) hebben een mogelijk gedeelde bron HP 2324481 waarvan geen duidelijke link met het buitenland of iemand ander met P1 variant.

2 (893C0113692, 893C0166335) indexen geen duidelijke link met andere clusters

2 indexen uit HvB (893C0187444, 883C1091667)

Uiteraard gaan we contacten en de gedeelde bron inzetten voor sequenzen. HvB is op de hoogte dat een index besmettelijk aanwezig geweest is bij een cluster 92235 en wij zullen verder sequencing gaan inzetten bij school 85213.

Ik hoop hierbij u voor nu voldoende geïnformeerd te hebben, anders horen wij het graag.

Groet 5.1.2e GGD gelderland zuid

Van: LCI Voorwacht <5.1.2e@rivm.nl>
Verzonden: woensdag 31 maart 2021 14:30
Aan: 5.1.2e 5.1.2e <5.1.2e@ggdgelderlandzuid.nl>
CC: 5.1.2e <5.1.2e@rivm.nl>
Onderwerp: FW: update uitslag sequentie analyse BCO contacten van P1 variant

Beste 5.1.2e

In geel hieronder staat de uitleg van het laboratorium over het verschil in sequenties zoals afgebeeld in de 5.1.2e uitgelegd. Als nog meer toelichting gewenst is dan kan je 5.1.2e even mailen, hij heeft de 5.1.2e gemaakt. Over de 5.1.2e's het nog goed voor ons om te weten in welke woonplaats of regio zij zijn geweest. Hebben jullie deze gegevens?

Morgen bij ik zelf afwezig, dus als jullie een terugkoppeling doen over de filogenitisch 5.1.2e dan kan dat naar de voorwacht en mijn collega 5.1.2e (in CC).

Met vriendelijke groet,

5.1.2e 5.1.2e
5.1.2e infectieziektebestrijding
Landelijke Coördinatie Infectieziektebestrijding (LCI)

From: 5.1.2e <5.1.2e@rivm.nl>
Sent: dinsdag 30 maart 2021 19:35
To: 5.1.2e <5.1.2e@rivm.nl> 5.1.2i Functionele emailadressen <5.1.2e@rivm.nl> 5.1.2e
<5.1.2e@ggdgelderlandzuid.nl>
Cc: 5.1.2e <5.1.2e@rivm.nl>; 5.1.2e <5.1.2e@rivm.nl>; LCI Voorwacht <5.1.2e@rivm.nl>
Subject: RE: update uitslag sequentie analyse BCO contacten van P1 variant

5.1.2e
Zijn er hpzzone situatie nummers van deze uitbraken? Zijn er anders lijsten met coronit monsternummers van beide situaties. Ik heb voor hpz95457, onderaan de mail genoemd, een uniek cluster van 6 identieke sequenties, plus 1 die niet als onderdeel van dit cluster is aangemeld maar mogelijk de index is geweest. Dit laatste monster betreft coronit monsternummer 893C0184895. Klopt dit met jullie gegevens?
Verder heb ik een cluster van 11 sequenties die allemaal iets van elkaar verschillen (1 a 2 nucleotiden), die vormen wel een cluster maar de verschillen duiden op doorgaande transmissie in de populatie met af en toe een monster uit die populatie. Een drietal van deze monsters is aangemeld als hpz92463. Is dat het andere cluster waar deze vraag over gaat? In de hele boom van inmiddels al 60 P.1/V3 sequenties zitten de 2 clusters relatief dicht bij elkaar, dichter bij elkaar dan bij andere sequenties. Dat suggereert dat ze een gemeenschappelijke voorouder hebben. Ik hecht de complete boom aan, om het overzichtelijker te maken heb ik feedback nodig wat wel en wat niet bij elkaar hoort, het gaat dus om de clusters onderaan. Het laatste deel van de taxa id is het coronitnr, daarvoor de cluster aanduiding en daar weer voor ons monsternummer en helemaal vooraan run nummer en barcode. Voor jullie is vooral het coronitnummer en de cluster aanduiding van belang om te vergelijken met jullie eigen gegevens en aan te vullen waar mogelijk of te corrigeren als nodig.
Groeten 5.1.2e

From: 5.1.2e <5.1.2e@rivm.nl>
Sent: dinsdag 30 maart 2021 17:16
To: 5.1.2i Functionele emailadressen <5.1.2e@rivm.nl>
Cc: 5.1.2e <5.1.2e@rivm.nl>; 5.1.2e <5.1.2e@rivm.nl>; 5.1.2e <5.1.2e@rivm.nl>; LCI Voorwacht <5.1.2e@rivm.nl>
Subject: RE: update uitslag sequentie analyse BCO contacten van P1 variant

Beste collega's,

Het zou erg interessant zijn de recente P1 bevestigde monsters van GGD Gelderland-Zuid met elkaar te vergelijken. Ik heb net contact gehad met de GGD gehad en ze hebben 2 clusters:

1. Een familiecluster 5.1.2e
5.1.2e (eerste uitslag uit kiemsurveillance 5.1.2e
2. Werk gerelateerd cluster 5.1.2e
5.1.2e 12 positieven, waarvan 4 bevestigd P1 (eerste uitslag kwam uit kiemsurveillance), 8 andere monsters zijn ook naar jullie verstuurd. De 2 eerste zieken hadden 5.1.2e

Champignonkwekerijen liggen 10 km uit elkaar. Maar GGD heeft nog geen link gevonden tussen de 2 clusters. Geen link met Brazilië.

Groet,

5.1.2e
5.1.2e infectieziektebestrijding 5.1.2e
Landelijke Coördinatie Infectieziekten (LCI)

06- 5.1.2e

RIVM - Centrum Infectieziektebestrijding (CIb)
 Postbus 1 5.1.2e
 3720BA Bilthoven

From: 5.1.2i Functionele emailadressen <5.1.2e @rivm.nl>
Sent: dinsdag 30 maart 2021 11:04
To: 5.1.2i Functionele emailadressen <5.1.2e @rivm.nl>; 'Infectieziekten Gelderland-Zuid' <5.1.2e @ggdgelderlandzuid.nl>; LCI Voorwacht <5.1.2e @rivm.nl>; 5.1.2e <5.1.2e @ggdgelderlandzuid.nl>; 5.1.2e <5.1.2e @ggdgelderlandzuid.nl>; 5.1.2e <5.1.2e @jbz.nl>
Subject: update uitslag sequentie analyse BCO contacten van P1 variant

Beste collega's,

Inmiddels zijn alle monsters geanalyseerd. De uitslagen van de sequentie-analyse zijn te vinden in de bijlage.

Alle monsters zijn geclassificeerd als P.1 /20J/501Y.V3 (variant of concern, Braziliaanse variant)
 Is er interesse/noodzaak om deze sequentie onderling te vergelijken?

Met vriendelijke groet,

5.1.2e

Van: 5.1.2i Functionele emailadressen <5.1.2e @rivm.nl>
Verzonden: zondag 28 maart 2021 14:38
Aan: 'Infectieziekten Gelderland-Zuid' <5.1.2e @ggdgelderlandzuid.nl>; LCI Voorwacht <5.1.2e @rivm.nl>; 5.1.2i Functionele emailadressen <5.1.2e @rivm.nl>; 5.1.2e <5.1.2e @ggdgelderlandzuid.nl>; 5.1.2e <5.1.2e @ggdgelderlandzuid.nl>; 5.1.2e <5.1.2e @jbz.nl>
Onderwerp: Uitslag sequentie analyse BCO contacten van P1 variant
Gevoeligheid: Vertrouwelijk

Beste collega's,

N.a.v. de onderstaande casus zijn er 6 monsters naar het RIVM verzonden voor sequentieanalyse. De 3 samples afkomstig uit het JbZ zijn inmiddels geanalyseerd. De 3 monsters afkomstig van Synlab worden momenteel gesequenced.

De 3 monsters uit het JbZ zijn geclassificeerd als P.1 /20J/501Y.V3 (variant of concern, Braziliaanse variant)

Met vriendelijke groet,

5.1.2e

5.1.2e 5.1.2e
 5.1.2e Bacteriële Surveillance & Respons
 Centre for Infectious Diseases Research, Diagnostics and Laboratory Surveillance (IDS),
 National Institute for Public Health and the Environment (RIVM),
 Antonie van Leeuwenhoeklaan 9,
 3721 MA, Bilthoven, The Netherlands
 + 5.1.2e +31 5.1.2e
 5.1.2e @rivm.nl

Van: Infectieziekten Gelderland-Zuid <5.1.2e @ggdgelderlandzuid.nl>
Verzonden: woensdag 17 maart 2021 12:29
Aan: LCI Voorwacht <5.1.2e @rivm.nl>; 5.1.2i Functionele emailadressen <5.1.2e @rivm.nl>; 5.1.2e <5.1.2e @ggdgelderlandzuid.nl>; 5.1.2e <5.1.2e @ggdgelderlandzuid.nl>
Onderwerp: Vooraanmelding sequencing BCO P1 variant GGD Gelderland zuid.

Gevoeligheid: Vertrouwelijk

Beste collega's van het LCI,

Ik heb zaterdag jullie op de hoogte gebracht omtrent de VOC/VOI's uit kiemsurveillance uit onze regio.

Hierbij de vooraanmelding voor sequenzen van BCO contacten van Coronit 6544739-5.1.2e P1 variant. Huisgenoten 5.1.2e alle positief. Monster vanuit JBZ en Synlab zijn verstuurd 5.1.2e heeft besmettelijk gewerkt op 5.1.2e waarbij zij aangegeven heeft dat meerdere zieke collega's zijn die zich niet zouden laten/mogen laten testen. Geen andere indexen tot op heden gekoppeld aan het bedrijf. Er is contact geweest met het bedrijf en daar is het niet opgevallen dat er meer mensen met klachten zouden zijn. Als iemand zich niet lekker voelt hebben ze liever dat hij thuis blijft en zicht laat testen.

Ik hoop u hierbij voldoende geïnformeerd te hebben en anders hoor ik het graag.

Met vriendelijke groet,

5.1.2e GGD Gelderland zuid

Dit bericht kan informatie bevatten die niet voor u is bestemd. Indien u niet de geadresseerde bent of dit bericht abusievelijk aan u is verzonden, wordt u verzocht dat aan de afzender te melden en het bericht te verwijderen. Het RIVM aanvaardt geen aansprakelijkheid voor schade, van welke aard ook, die verband houdt met risico's verbonden aan het elektronisch verzenden van berichten.
www.rivm.nl De zorg voor morgen begint vandaag

This message may contain information that is not intended for you. If you are not the addressee or if this message was sent to you by mistake, you are requested to inform the sender and delete the message. RIVM accepts no liability for damage of any kind resulting from the risks inherent in the electronic transmission of messages.

www.rivm.nl/en Committed to health and sustainability