

To: 5.1.2e 5.1.2e 5.1.2e @rivm.nl; 5.1.2e 5.1.2e 5.1.2e 5.1.2e 5.1.2e @rivm.nl
Cc: 5.1.2e 5.1.2e 5.1.2e @rivm.nl
From: 5.1.2e 5.1.2e
Sent: Thur 1/9/2020 2:21:40 PM
Subject: RE: oude SARS real-time rt-PCR kuiken et al
Received: Thur 1/9/2020 2:21:41 PM

Ga ik even bij 5.1.2e navragen/in oude primer/probe bestanden spitten.

Mvg

5.1.2e

From: 5.1.2e 5.1.2e
Sent: donderdag 9 januari 2020 14:37
To: 5.1.2e 5.1.2e 5.1.2e 5.1.2e 5.1.2e 5.1.2e
Cc: 5.1.2e 5.1.2e
Subject: oude SARS real-time rt-PCR kuiken et al

Hoi,

Even in petit committee. Ik heb net 5.1.2e gesproken. In alignment van de hele groep van SARS-like coronavirussen zijn er 200 van de 220 sequenties die bekend zijn die opgepikt worden met onderstaande PCR:

Primers SARSNP fpr1 (5'-CAAACATTGGCCG CAAATT-3'), SARSNP rpr1 (5'-CAATGCGTGACA TTCAAAGA-3'), and probe SARSNP prb1 (5'-CACAATTTGCTCCAAGTGCCTCTGCA-3') (Eurogentec) specific for the nucleoprotein (NP) gene of SARS-CoV were used for amplification. Amplification parameters were 2 min at 50°C, 30 min at 60°C, 5 min at 95°C, and 45 cycles of 30 s at 95°C, and 1 min at 62°C.

Deze is TaqMan (*) en reeds gepubliceerd in 2003 door Kuiken et al (founding paper over SARS). Deze hebben we misschien al in huis? Het kan nog wel eens de beste worden als blijkt dat de homologie met SARS inderdaad hoog is (vognes drosten 90%) ? En dan hoef je ook niet meer te sequencen om het zeker te weten.

@ 5.1.2e hebben we die toevallig al?

Gr 5.1.2e