

To: [redacted]@rivm.nl; [redacted]@rivm.nl; [redacted]@rivm.nl;
 [redacted]@rivm.nl; [redacted]@rivm.nl; [redacted]@rivm.nl; [redacted]@rivm.nl;
 [redacted]@rivm.nl; [redacted]@rivm.nl; [redacted]@rivm.nl; [redacted]@rivm.nl;
 [redacted]@rivm.nl; [redacted]@rivm.nl; [redacted]@rivm.nl; [redacted]@rivm.nl;
From: [redacted]
Sent: Mon 1/13/2020 12:16:28 AM
Subject: RE: Coronavirus Wuhan-China
Received: Mon 1/13/2020 12:16:36 AM

Hoi [redacted]

Is er al ergens op R al een map voor Wuhan-CoV aangelegd? Ik heb de 6 sequenties maar even geplaatst op [redacted] Dat leek mij het meest logisch op dit moment, totdat alles in ISO9001 tuniek zit. Maar, misschien had jij ze al ergens op R staan. Ik was nieuwsgierig en heb ze maar gedownload.

Bij alignment met eerste sequentie zitten aan begin en einde wat hickups en ergens zit bij 1 nog een base meer dan bij de 5 andere.

Kan [redacted] ook al zijn spike bestellen. Alhoewel gebruik GISAID sequenties aan de gebruikelijke afspraken zijn gebonden: By viewing and using Data from non-influenza viruses made available to you, you agree to the same terms and conditions set forth for influenza viruses, you agreed to be bound by the GISAID EpiFlu™ Database Access Agreement for Data of non-influenza viruses.

Met vriendelijke groeten,

[redacted]



2 - 5

Dubbel