

Hi 5.1.2e 5.1.2e

Vorige week vrijdag heeft 5.1.2e jullie de eerste data laten zien van jullie sera met de MIA (Luminex), van de controle samples wordt nog het 2^e deel getest van de week. Wat het Cov-2 positieve serum panel betreft, hieronder nog een keer een grafische analyse, maar nu longitudinaal per patient uitgezet, dit is op basis van wat 5.1.2e heeft doorgegeven aan ziektedata en de kleurcoderingen, wij tellen hier 34 patienten. De ROC voor S1 is even als simpel voorbeeld neergezet voor samples > dag 12 onder aan deze figuur, dat ziet er natuurlijk al heel mooi uit, maar we moeten ons hier uiteraard baseren op het hele spectrum van vroege en late samples, de cut-off streepjes die in de figuren zijn neergezet zijn hier nu even tijdelijk op gebaseerd, en op de COVID-19 negatieve sampleset, dus dat gaat nog zeker veranderen al naar gelang de instroom in de neg en pos groepen.

De door ons gehanteerde AU/ml is een arbitraire éénheid op basis van door ons samengestelde 'voorlopige' positieve pool, die kunnen we tzt heel snel doorkoppelen aan een gewenste serum standaard (bijv. NIBSC), dan is de conversie voor ons snel gemaakt, we hebben nu voldoende grip op de lineariteit en de dynamic range per eiwit, alsook reproduceerbaarheid en de robuustheid van de assay (eiwit koppelingen), daar hebben we afgelopen week met name aan gewerkt, ter voorbereiding op Pienter.

We willen nu zsm alle COVID-19 data en controle data die we nu hebben bij elkaar brengen voor een eerste MIA Corona tech paper. Anderen zijn nu ook met de MIA bezig, dus we moeten hier niet te lang mee wachten. 5.1.2e neemt dat op zich.

Primaire focus is de MIA/corona, een tech paper die we nu even 'sec' willen brengen zonder vergelijkingen met andere EIAs of proteïn array, dat maakt zo'n stuk denk ik te zwaar voor nu, dan zitten we ook niet te veel in elkaars vaarwater, en we kunnen het simpelweg op dit moment niet goed beoordelen. We zouden het echter wel fijn vinden als we de MIA aan de NT kunnen hangen, niet bedoeld om nu al discussie aan te gaan over levels van protectie, maar als meest geaccepteerde serologische referentie/ijkpunt op dit moment.

Vraag is of jullie aan dit MIA paper mee willen werken en meedenken, 5.1.2e maakt daar nu een opzet voor. Wat belangrijk voor ons is om te weten of we daarbij jullie sera "uberhaupt" mogen gebruiken voor publicatie, omdat je eerder aangaf dat hier wellicht (AVG) obstakels liggen, en zoiets hoorde ik gisteren ook van 5.1.2e Tweede is of we neutralisatie data van deze sera die jullie vast hebben van een aantal van deze sera, mogen koppelen aan onze MIA data voor een apart figuur, en als we daarbij ook mogen opgeven welke van de sera 'severe' of 'mild' cases betreft, zou dat heel fijn zijn, want dat is nu juist het serologische hangijzer, ook voor een MIA. We testen uiteraard nog meer patienten uit andere bron, hopelijk komen daar ook nog NT data van los hier op het RIVM, ik weet nog niet exact hoeveel data dat oplevert.

Anyway, we horen graag van jullie.

Groet, 5.1.2e en 5.1.2e