

To: covid-19 surveillance [5.1.2e] [5.1.2e]@rivm.nl; [5.1.2e] [5.1.2e]@minvws.nl]
Cc: [5.1.2e] [5.1.2e]@rivm.nl; [5.1.2e] [5.1.2e]@rivm.nl]
From: [5.1.2e]
Sent: Fri 1/8/2021 11:18:19 AM
Subject: RE: Vragen Nieuwe variant virus
Received: Fri 1/8/2021 11:18:20 AM

Dag [5.1.2e]

In antwoord op je vragen:

1. De studie uit de UK* schat dat deze Variant of Concern (VOC) leidt tot een verhoging van de R van 0.4 tot 0.7 (afhankelijk van welk statistisch model ze gebruiken om het verschil te schatten). Optellen dus bij de R_t die geldt wanneer de VOC niet circuleert. De schatting uit de studie was dat voor de non-VOC varianten in de periode van studie de R_t 0.92 was (95%CI 0.86-1.06) en voor de VOC variant 1.45 (95%CI 0.91-1.89)
2. Een virusvariant die transmissie voordeel heeft t.o.v. de andere circulerende varianten zal uiteindelijk altijd de dominante variant worden. Geen glazen bol helaas wbt het tijdsfad! Belangrijk om te realiseren dat dit een gradueel proces is. In de UK is de variant waarschijnlijk eind vd zomer ontstaan en in November voor het eerst gedetecteerd in hun kiemsurveillance. Nu is het de dominante variant in een aantal regio's. Wel is de verspreiding in de UK gebeurd in een periode dat verschillende delen van het land in verschillende tiers van lockdown zaten, die over het algemeen minder streng waren dan de huidige Nederlandse lockdown die sinds 15 december geldt; dat is in ons voordeel. In Nederland houden we de mate van verspreiding van de VOC in de gaten door zowel kiemsurveillance (genetisch testen van een steekproef van alle PCR testen om de mutatie op te sporen), geïntensiveerd outbreak onderzoek (zoals op de basisschool in Bergschenhoek) en epidemiologische surveillance om eventuele versnellingen in verspreiding op subnationaal geografisch niveau op te sporen.

*Volz et al. Transmission of SARS-CoV-2 Lineage B.1.1.7 in England: Insights from linking epidemiological and genetic data

Ik hoop dat dit je helpt, schroom niet te bellen in geval van vragen,

Groetjes, [5.1.2e]

From: covid-19 surveillance <[5.1.2e]@rivm.nl>
Sent: vrijdag 8 januari 2021 11:35
To: [5.1.2e] <[5.1.2e]@rivm.nl>
Subject: FW: Vragen Nieuwe variant virus

From: [5.1.2e] <[5.1.2e]@minvws.nl>
Sent: vrijdag 8 januari 2021 11:23
To: covid-19 surveillance <[5.1.2e]@rivm.nl>
Subject: Vragen Nieuwe variant virus

Dag collega's,

Zojuist met jullie telefonisch gesproken. Vanuit onze directie zijn twee vragen gekomen over de Britse variant van het virus. Het heeft weer enige spoed. Lukt het jullie om mij voor 14:00 van een antwoord te voorzien?

Vragen:

1. Volgens onderzoekers van het Imperial College in Londen kan de nieuwe variant leiden tot een verhoging van het R-getal met 0,4 tot 0,7.
Hoe moeten wij dit op ons reproductiegetal interpreteren? Is dit gewoon een optelsom op onze huidige reproductiegetal? Of is het een percentuele verhoging van 0,4 tot 0,7 op onze potentiële R bijvoorbeeld?
2. Hoelang duurt het voordat de huidige SARS-Cov-2 varianten worden verdrongen door de nieuwe variant van het virus uit het VK? Is hier al wat meer over bekend?

Alvast super bedankt en ik wacht jullie reactie af.

Hartelijke groet,

5.1.2e