

**To:** [redacted] [redacted] @rivm.nl  
**Cc:** [redacted] [redacted] @rivm.nl; [redacted] [redacted] @rivm.nl; [redacted] [redacted] @rivm.nl; [redacted] [redacted] @rivm.nl; [redacted] [redacted] @rivm.nl; [redacted] [redacted] @rivm.nl; [redacted] [redacted] @rivm.nl; [redacted] [redacted] @rivm.nl; [redacted] [redacted] @rivm.nl; [redacted] [redacted] @rivm.nl; [redacted] [redacted] @rivm.nl  
**From:** [redacted] [redacted] @rivm.nl  
**Sent:** Sun 2/14/2021 2:04:23 PM  
**Subject:** RE: WMDI-uitvraag sequencing capaciteit voor SARS-CoV-2 - voor woensdag 17:00 repons  
**Received:** Sun 2/14/2021 2:04:34 PM

Dank, genoteerd!

**Van:** [redacted] [redacted] @rivm.nl  
**Verzonden:** vrijdag 12 februari 2021 11:51  
**Aan:** [redacted] [redacted] @bravis.nl  
**CC:** [redacted] [redacted] @rivm.nl; [redacted] [redacted] @rivm.nl; [redacted] [redacted] @rivm.nl; [redacted] [redacted] @rivm.nl; [redacted] [redacted] @rivm.nl; [redacted] [redacted] @rivm.nl; [redacted] [redacted] @rivm.nl; [redacted] [redacted] @rivm.nl; [redacted] [redacted] @rivm.nl; [redacted] [redacted] @rivm.nl; [redacted] [redacted] @rivm.nl  
**Onderwerp:** RE: WMDI-uitvraag sequencing capaciteit voor SARS-CoV-2 - voor woensdag 17:00 repons

\*\*\* DIT IS EEN EXTERNE EMAIL: klik niet op een link of open geen bijlage tenzij je de afzender vertrouwt. \*\*\*

Ho [redacted] [redacted]

Bijgaand alsnog onze reactie op de enquête. Excuses dat we niet hadden gereageerd, enige verwarring intern \*.

Groet [redacted] [redacted]

- Heeft uw laboratorium next generation sequencing capaciteit voor SARS-CoV2?
  - Ja / Nee **Ja**
  - Zo ja: op welk(e) platform(s) ? **Gridion en Nextseq**
  - Geef per platform aan wat de huidige sequencing capaciteit (# samples) is per week. Doe dit
    - o (A) zonder bio-informatische analyse en
    - o (B) inclusief bio-informatische analyses die quality controlled consensus genomes generen. **1000 samples/pw Gridion, binnenkort opschaalbaar naar 1500 pw (combi Nextseq met behulp van Nimagen kit en Gridion).**
  
- Heeft u op dit moment al SARS-CoV-2 NGS analyses gedaan?
  - Ja / Nee **Ja, kiemsurveillance, uitbraak onderzoek en onderzoek**
  - Zo nee, bent u dit van plan in de (nabije) toekomst en op welke termijn?
  
- Bent u bereid deel uit te maken van een nationale sequencing structuur, waarin onder wederzijdse afspraken data gedeeld worden ten behoeve van de bestrijding en monitoring van SARS-CoV-2?
  - Ja / Nee **ja**
  - Zo ja, noem eventuele voorwaarden

**Van:** [redacted] [redacted] @rivm.nl  
**Verzonden:** maandag 8 februari 2021 10:28  
**Aan:** [redacted] [redacted] @rivm.nl; [redacted] [redacted] @rivm.nl; [redacted] [redacted] @rivm.nl; [redacted] [redacted] @rivm.nl; [redacted] [redacted] @rivm.nl  
**Onderwerp:** RE: WMDI-uitvraag sequencing capaciteit voor SARS-CoV-2 - voor woensdag 17:00 repons

Ter informatie

Mvg

[redacted] [redacted]

**From:** [redacted] [redacted] @nvmm.nl  
**Sent:** maandag 8 februari 2021 10:24  
**To:** [redacted] [redacted] @nvmm.nl  
**Subject:** WMDI-uitvraag sequencing capaciteit voor SARS-CoV-2 - voor woensdag 17:00 repons

Importance: High

Beste MMLs,

Zoals een ieder gemerkt heeft is er mogelijk een toenemende vraag naar extra sequencing capaciteit voor SARS-CoV-2 in Nederland.

Om hier sturing aan te geven, hebben er inmiddels gesprekken plaats gevonden, met diverse stakeholders (RIVM, EMC, AMC, WMDI, NWKV, NVMM, VWS-Dienst Testen) aan tafel. Hierover zal binnenkort in de nieuwsbrief van Dienst Testen meer informatie komen. Aan de WMDI is gevraagd een korte inventarisatie te organiseren onder de leden, met betrekking tot de **huidige** NGS sequencing capaciteit (dus met nadruk niet na eventuele opschaling). Daarom hierbij een korte vragenlijst met een korte responstijd, om mede op basis hiervan de volgende stappen in de inrichting van een sequencing structuur te kunnen nemen.

- Heeft uw laboratorium next generation sequencing capaciteit voor SARS-CoV2?
  - Ja / Nee
  - Zo ja: op welk(e) platform(s) ?
  - Geef per platform aan wat de huidige sequencing capaciteit (# samples) is per week. Doe dit
    - (A) zonder bio-informatische analyse en
    - (B) inclusief bio-informatische analyses die quality controlled consensus genomes generen.
- Heeft u op dit moment al SARS-CoV-2 NGS analyses gedaan?
  - Ja / Nee
  - Zo nee, bent u dit van plan in de (nabije) toekomst en op welke termijn?
- Bent u bereid deel uit te maken van een nationale sequencing structuur, waarin onder wederzijdse afspraken data gedeeld worden ten behoeve van de bestrijding en monitoring van SARS-CoV-2?
  - Ja / Nee
  - Zo ja, noem eventuele voorwaarden

Graag **voor a.s. woensdag 17:00u** jullie antwoorden naar 5.1.2e (5.1.2e [@bravis.nl](mailto:5.1.2e@bravis.nl)).

Met vriendelijke groet,

5.1.2e

**MICROVIDA**  
MEDISCHE MICROBIOLOGIE BRABANT & ZEELAND

T: 0031 5.1.2e

W: [www.microvida.nl](http://www.microvida.nl)

Dit bericht kan informatie bevatten die niet voor u is bestemd. Indien u niet de geadresseerde bent of dit bericht abusievelijk aan u is verzonden, wordt u verzocht dat aan de afzender te melden en het bericht te verwijderen. Het RIVM aanvaardt geen aansprakelijkheid voor schade, van welke aard ook, die verband houdt met risico's verbonden aan het elektronisch verzenden van berichten.  
[www.rivm.nl](http://www.rivm.nl) De zorg voor morgen begint vandaag

This message may contain information that is not intended for you. If you are not the addressee or if this message was sent to you by mistake, you are requested to inform the sender and delete the message. RIVM accepts no liability for damage of any kind resulting from the risks inherent in the electronic transmission of messages.  
[www.rivm.nl/en](http://www.rivm.nl/en) Committed to health and sustainability

Deze mail is beveiligd verzonden met KPN Secure Mail. Zie voor meer informatie het Privacy Statement op de website van het Bravis ziekenhuis.