

Mexicaanse variant SARS-CoV-2



22-3-2021 | Uitwisselingsoverleg

5.1.2e AIOS IZB
5.1.2e @ggdzl.nl
Met dank aan IZB team GGD ZL, 5.1.2e
(MUMC+) & 5.1.2e 5.1.2e (RIVM)



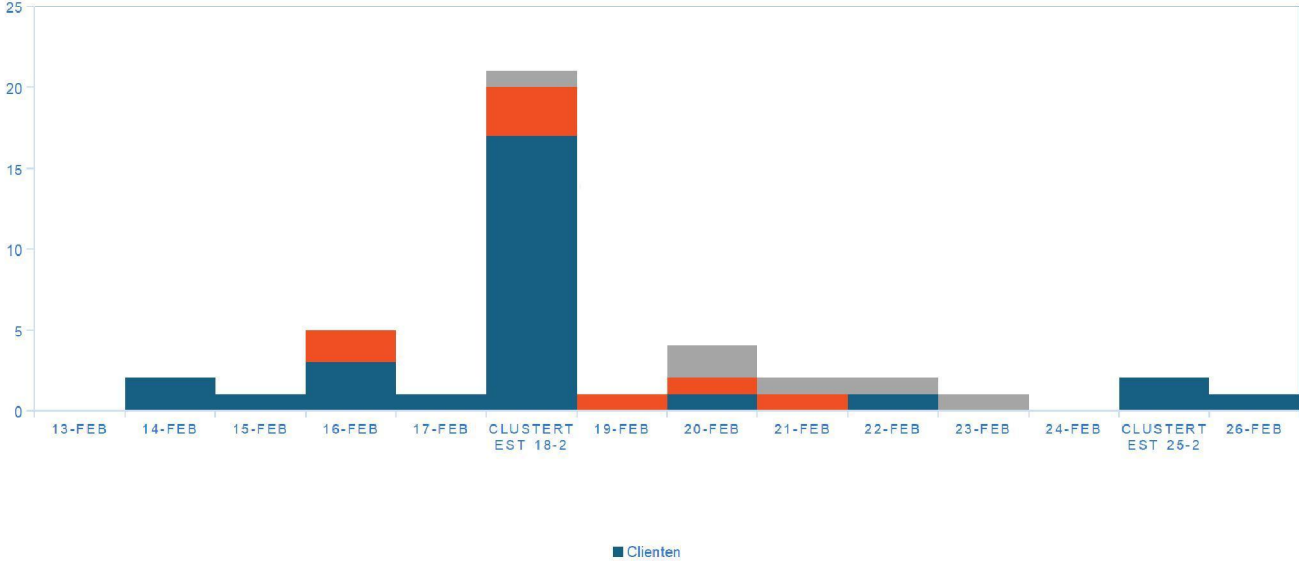
AANLEIDING

- Ct-waarde van 8 bij asymptomaat → sequencing → “Mexicaanse variant”
- Veelvuldig in buitenlandse nieuwsartikelen genoemd
- Onderdeel van twee gelinkte clusters in GGD Zuid Limburg
- Destijds al overlegd met RIVM maar geen variant of concern

CLUSTERBESCHRIJVINGEN

- Wooninstelling en zorgboerderij voor verstandelijk gehandicapten
- Een case was deelnemer aan de zorgboerderij en linkt beide clusters aan elkaar

GECOMBINEERDE EPI-CURVE



SAMENVATTING

- 92% attack rate onder bewoners instelling (23/25)
- 62% asymptomatisch bij testen
- 2 overleden en 3 anderen gehospitaliseerd. Gemiddelde leeftijd 57. Niemand bekend met immuunstoornis

- Op (gesloten) zorgboerderij 14 besmet waarvan 1 gehospitaliseerd

DIT CLUSTER IN HET NIEUWS

Vrijdag 05 maart 2021 | Het laatste nieuws het eerst op NU.nl



Laatste update: 5 uur geleden

In Limburg is een nieuwe coronavirusvariant aangetroffen, de zogeheten Mexicaanse mutant. Dat schrijven [De Telegraaf](#) en [De Limburger](#) donderdag.

Mexicaanse coronavariant duikt op in Limburg

04-03-2021 om 19:49 door Serge Sekhuis



Afbeelding: Hollandse Hoogte / ANP



Opnieuw is er in Limburg een nieuwe variant van het coronavirus opgedoken. In Sittard, Maastricht, Born en Beek zijn afgelopen twee weken zeker tien mensen besmet geraakt met een nog niet eerder in ons land beschreven Mexicaanse mutant.

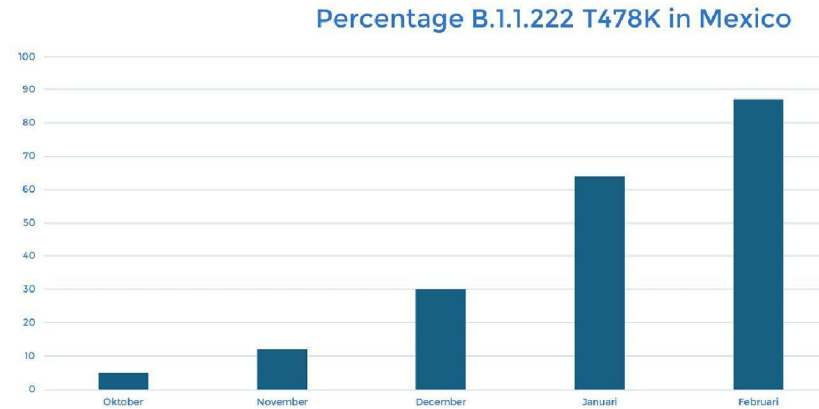
GGD ZUID
LIMBURG

VRAGEN NA HET NIEUWS

- Is deze variant besmettelijker of ernstiger?
- Moeten we extra maatregelen nemen?
- Werkt het vaccin nog en zijn we nog vatbaar voor een andere variant?

DE MEXICAANSE VARIANT

- B.1.1.222 met mutatie in T478K, P.681H en T732A eiwitten
- Zelfde P.681H mutatie als Britse variant
- Veel nieuwsartikelen
- Van 5 naar 87% gegroeid
- Verdubbelingstijd ~ 1 maand



MUTATIES

- Niet alle mutaties hebben fenotypische verandering ten gevolg
- Kunnen wel veel onrust veroorzaken
- Mutaties worden nauwlettend in de gaten gehouden nationaal en internationaal
- WHO heeft criteria opgesteld

WHO CRITERIA VARIANT OF INTEREST

- Fenotypische verandering t.o.v. baseline of mutaties die verdacht zijn voor of waarvoor bekend is dat deze leiden tot fenotypische verandering
- Geïdentificeerd in wijdverspreide transmissie/meerdere Covid-19 cases/clusters en in meerdere landen gevonden

WHO CRITERIA VARIANT OF CONCERN

- Variant of interest EN een van onderstaande punten:
- Verhoging in mate van transmissie of negatieve verandering in de epidemiologie
- Verhoging in virulentie of ziektepresentatie
- Vermindering in effectiviteit van public health interventies waaronder diagnostische middelen, vaccinaties of behandeling

SAMENVATTING EN TAKE HOME MESSAGE

- Uitzonderlijk lage Ct waarde gevonden bij asymptomaat met betrokken bij cluster. Overige Ct waardes normaal
- B.1.1.222 variant met een T478K mutatie gevonden
- Van oktober naar februari van 5 naar 87% gegaan in Mexico
- Lijkt alweer aan het uitdoven in Nederland
- Geen variant of concern maar veroorzaakte wel veel onrust

VRAGEN EN DISCUSSIE



MUMC+ surveillance Britse en Mexicaanse variant in Zuid Limburg

