

To: [redacted]@rivm.nl; [redacted]@rivm.nl; [redacted]
Cc: [redacted]@minvws.nl; [redacted]@rivm.nl
From: [redacted]
Sent: Wed 2/17/2021 6:42:21 PM
Subject: RE: nota ter voorbereiding
Received: Wed 2/17/2021 6:42:24 PM

Veel dank maar weer!

[redacted]

Verzonden met BlackBerry Work
(www.blackberry.com)

Van: [redacted]@rivm.nl
Datum: woensdag 17 feb. 2021 7:22 PM
Aan: [redacted]@minvws.nl; [redacted]@rivm.nl; [redacted]
Kopie: [redacted]@rivm.nl
Onderwerp: RE: nota ter voorbereiding

Beste [redacted]
Hierbij. Ik kopieer [redacted] in voor het geval ze aanvullingen heeft.
Groeten,
[redacted]

From: [redacted]@minvws.nl
Sent: Wednesday, February 17, 2021 7:06 PM
To: [redacted]@rivm.nl; [redacted]@rivm.nl; [redacted]
Subject: nota ter voorbereiding

Dag [redacted] en [redacted] en [redacted] (op verzoek van [redacted])
Zoals besproken met [redacted] en [redacted] heeft [redacted] morgen een gesprek met [redacted] over een notitie van [redacted] met punten die moeten leiden tot stapsgewijs uit de coronacrisis komen.

1 van de voorstellen van de heer [redacted] luidt: *Besluit om in de "wekelijkse update epidemiologische situatie COVID-19 in Nederland" de frequentie van de verschillende in virus varianten per regio per week te rapporteren (per dag technisch niet haalbaar op dit moment, en wordt nu alleen steekproefgewijs en geaggregeerd en gedecentraliseerd gerapporteerd)*

Aan mij is gevraagd om vanavond een reactie te leveren tbv de voorbereidingsnota voor de minister voor dit het gesprek. O.b.v onze telefoontjes stel ik onderstaande bijdrage voor (mede gebaseerd op RIVM website), graag jullie aanvullingen/ correcties. Dank alvast!

[redacted]

- U kunt een toelichting vragen aan [redacted] welke toegevoegde waarde ziet hij exact in het opnemen van deze data in de wekelijkse update van het RIVM (in aanvulling op de nu getoonde data)?
- Op dit moment onderzoekt het RIVM wekelijks een steekproef van monsters. Aan de hand van sequentieanalyse kan worden gezien of en hoe het virus verandert en welke virussen van elkaar afstammen en hoe de verschillende varianten zich verspreiden.
- Wekelijks leveren de laboratoria een willekeurige selectie van monsters aan voor onderzoek. Inmiddels gaat het om **ruim 1200** monsters per week. **Zeer binnenkort wordt** dit aantal uitgebreid naar ongeveer **1500** monsters per week. Het laboratoriumonderzoek vergt meer tijd en is ingewikkelder dan het analyseren van een monster voor bijvoorbeeld een **PCR-test**. Bij het onderzoek zijn dan ook verschillende specialisten betrokken. **Een keer per week maken de laboratoria een representatieve steekproef van monsters met een positieve PCR uitslag naar het RIVM voor een sequentieanalyse. De sequentieanalyses worden vervolgens binnen een aantal dagen uitgevoerd.**
- ~~Hoewel wordt gewerkt aan opschaling en verbetering van de sequentieanalyse~~ kost de verwerking van de monsters dus

veel tijd. De beschikbare data kent daarmee altijd tot een forse vertraging van ongeveer twee weken van moment dat de persoon getest wordt tot de sequentie bekend is, dit is ongeveer drie weken nadat een persoon besmet is geraakt. De prognose van de ontwikkeling naar de toekomst wordt wekelijks gedaan op basis van de dan beschikbare informatie. Als er nieuwe resultaten van sequentieanalyses bij komen, ook uit eerdere weken, worden deze meegenomen in de volgende prognose. Resultaten worden daarmee bijgesteld

Dit is wat er op de website staat, vind ik wel net zo duidelijk:

- *Aan de uitslag van een positieve coronatest kan niet worden gezien welke virusvariant iemand heeft. Om een goed beeld te krijgen van de verspreiding van de varianten worden de gegevens uit de [kiemsurveillance](#) gebruikt. De tijd tussen het afnemen van een coronatest en de resultaten in de kiemsurveillance is tussen de 1 tot 3 weken. De verhouding tussen de Britse variant en de overige varianten in figuur 2 is berekend met onderzoeksgegevens uit de kiemsurveillance t/m eind januari.*
- *Elke week krijgen onderzoekers van het RIVM Rijksinstituut voor Volksgezondheid en Milieu meer gegevens uit de kiemsurveillance over de besmettingen die meegenomen of verwerkt worden in deze modelleringscurves (figuur 2). Deze extra gegevens gaan vaak ook over oudere meldingen. Doordat er steeds meer gegevens uit de kiemsurveillance bijkomen, kunnen eerdere schattingen veranderen. Hoe meer informatie er beschikbaar is, hoe nauwkeuriger de schattingen zijn.*
- RIVM kiest er bovendien bewust voor om gegevens op landelijk niveau te tonen en niet per regio, vanwege de lage aantallen monsters. Deze aantallen worden nog lager als gegevens per regio op mutant niveau gepresenteerd worden. **Daarmee worden de resultaten tot nu toe te onnauwkeurig. Overigens kan dit in de nabije toekomst wel, als we 1500 samples per week hebben.**

Dit bericht kan informatie bevatten die niet voor u is bestemd. Indien u niet de geadresseerde bent of dit bericht abusievelijk aan u is verzonden, wordt u verzocht dat aan de afzender te melden en het bericht te verwijderen. Het RIVM aanvaardt geen aansprakelijkheid voor schade, van welke aard ook, die verband houdt met risico's verbonden aan het elektronisch verzenden van berichten.

www.rivm.nl De zorg voor morgen begint vandaag

This message may contain information that is not intended for you. If you are not the addressee or if this message was sent to you by mistake, you are requested to inform the sender and delete the message. RIVM accepts no liability for damage of any kind resulting from the risks inherent in the electronic transmission of messages.

www.rivm.nl/en Committed to health and sustainability