

**To:** [5.1.2e] [5.1.2e] [5.1.2e] [5.1.2e] [5.1.2e] @rivm.nl; [5.1.2e] [5.1.2e] [5.1.2e] [5.1.2e] [5.1.2e] @rivm.nl]  
**From:** [5.1.2e] [5.1.2e]  
**Sent:** Fri 1/29/2021 9:41:18 AM  
**Subject:** Info van [5.1.2e] [5.1.2e]  
**Received:** Fri 1/29/2021 9:41:19 AM

Ter info

---

**From:** [5.1.2e] [5.1.2e] <[5.1.2e]@rivm.nl>  
**Sent:** vrijdag 29 januari 2021 10:40  
**To:** [5.1.2e] [5.1.2e] <[5.1.2e]@rivm.nl>  
**Cc:** [5.1.2e] [5.1.2e] <[5.1.2e]@rivm.nl>  
**Subject:** helpt dit  
**Importance:** High

- Gevonden 3x B.1.1.28-P2 (Brazilië variant p2). Twee Brabant/ geen reishistorie (GGD HvB) en een keer Gelderland/reishistorie (GGD)
- Gevonden 2x B.1.1.28-P1 (Brazilië variant p1). Amsterdam, met reishistorie
- P1: uitbraak in Manaus en omgeving (staat Amazonas), ook aangetroffen in reizigers uit Brazilië elders (oa Japan).
- P2: uitbraak over vrijwel geheel Brazilië.
- P1: heeft 12 mutaties in het spike eiwit waarvan er 3 a priori als zorgelijk beschouwd worden: K417T, E484K, N501Y. Deze zijn bijna hetzelfde als in de onafhankelijk ontstane ZuidAfrika variant (K417N, E484K, N501Y).
- P2: heeft 4 mutaties in spike, waarvan er 1 a priori als zorgelijk beschouwd wordt: E484K.
- De mutatie N501Y beïnvloedt waarschijnlijk (verhoogd) de affiniteit voor binding van het virus aan de ACE-2 receptor. -> verhoging besmettelijkheid
- Daarnaast kunnen mutaties op de spike 501 positie de effectiviteit van neutraliserende antilichamen beïnvloeden
- De mutatie E484K beïnvloedt waarschijnlijk (verhoogd) de affiniteit voor binding van het virus aan de ACE-2 receptor. -> verhoging besmettelijkheid
- Daarnaast kunnen de mutaties K417N en E484K de effectiviteit van respectievelijk klasse 1 en 2 neutraliserende antistoffen negatief beïnvloeden hetgeen consequenties kan hebben voor de effectiviteit van de huidige generatie vaccins, behandeling met convalescent plasma en het optreden van herinfecties
- Daarnaast lijkt de ZuidAfrika variant niet tot sterk verminderd geneutraliseerd wordt door specifieke MAbs en convalescent plasma van patiënten uit de eerste COVID-19 golf
- BCO is gaande.