



Zes van de zeven SARS-COV-2 positieve monsters zijn in sequencing genomen. Het monster van Doc 1 niet omdat daarvan de virale load veel te laag was. Van 2 zijn er partiële sequenties, photographer en labtech 2 collection date 6/9/2020, ondanks ook een lage load. Van labtech 2 collection date 8/9/2020 is er wel een volledig sequentie. De volledige sequenties behoren allemaal tot GISAID clade GH en pangolin lineage B.1.22 en zijn identiek. De partiële sequenties hebben wel kenmerken die kenmerkend zijn voor lineage B.1.22. Daarmee kunnen we wel veilig concluderen dat de SARS-CoV-2 positieve personen allen met hetzelfde virus zijn geïnfecteerd. Of het ook uit 1 bron is zou epidemiologisch uitgezocht kunnen worden.

Lineage B.1.22 komt ook in Nederland vrij veel voor. In het begin van de epidemie werd dit type vooral en bijna exclusief in Gelderland gevonden, en in Gelderland werd toen bijna niets anders gevonden. Elders in Europa ook gevonden, in 5.1.2a 5.1.2a Maar het aantal is weinig, 39 tegenover 509 in Nederland. Hangt natuurlijk ook wel weer af van hoeveel er waar gesequencet is en gerapporteerd in de GISAID database.

Het is wel erg interessant om dit op de eilanden in de gaten te houden, er zou clonale expansie kunnen optreden als het virus zich weet te handhaven en er verder niet veel introducties zijn. Was dit de eerste introductie op St Eustatius? Clonale expansie zou prachtige data kunnen opleveren met betrekking tot snelheid van variatie in het virus. Dus als er meer positieven zijn volgend op dit cluster om te sequensen zou dat erg mooi zijn. Ook om te kijken of er ook andere clades / pangolin lineages op St Eustatius circuleren.

Kunnen de data van minstens de positieve personen van het huidige cluster in een epidemiologisch tijdverloop gezet worden met datum of tijdreeks contact, eerste ziektedag, datum PCR positief en misschien negatief als daarna vaker is getest en datum laatste ziektedag? Zijn er verschillende eilanden betrokken?

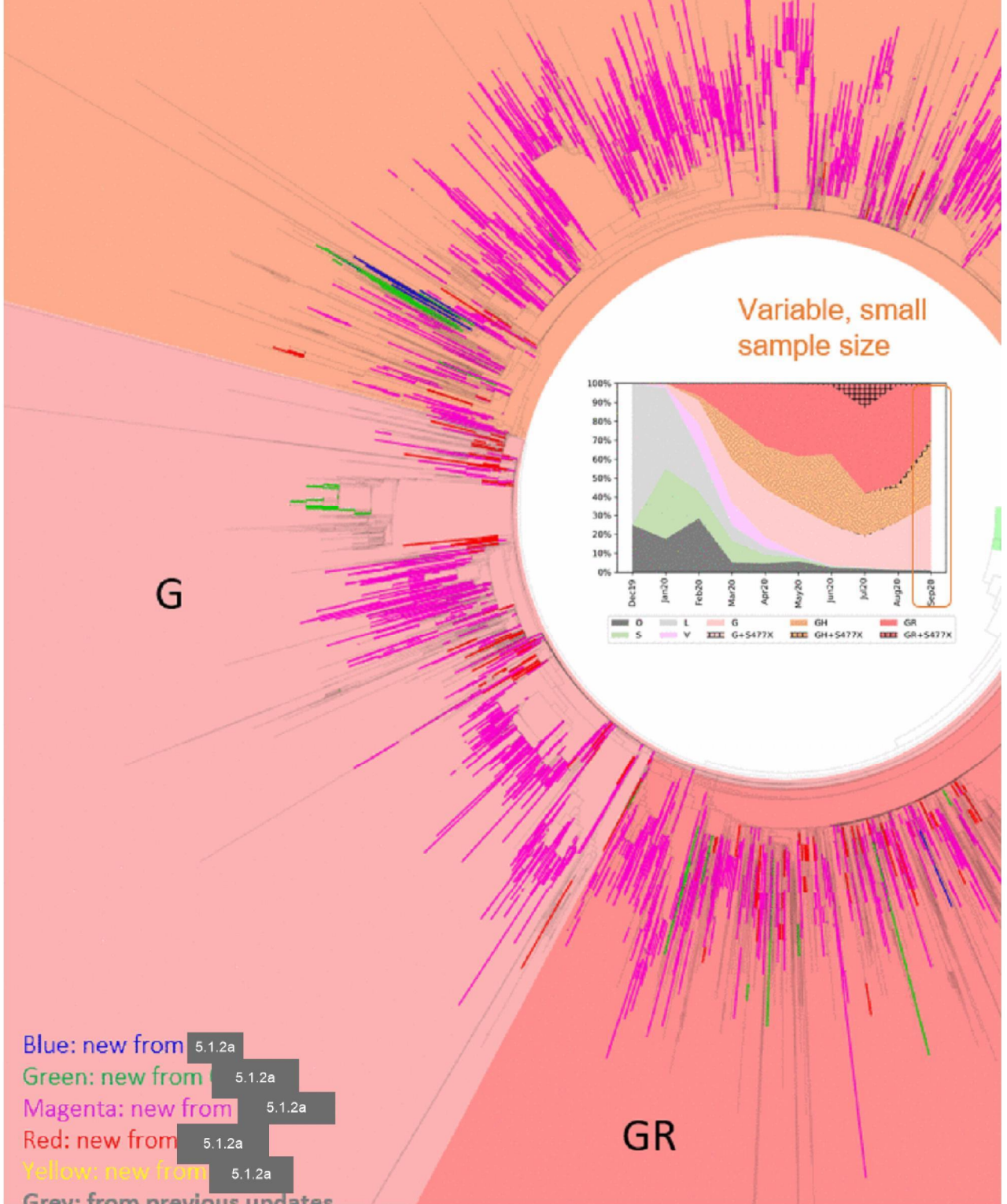
Met vriendelijke groeten,

5.1.2e

Overall plaatje clades en pangolin lineages om het beeld helpen te duiden.

Larger clades in GISAID were named in context of marker variants relative to WIV04-reference:

S	C8782T,T28144C	NS8-L84S	
L	C241,C3037,A23403,C8782,G11083,G25563,G26144,T28144,G28882		(WIV04-reference)
V	G11083T,G26144T	NSP6-L37F + NS3-G251V	
G	C241T,C3037T,A23403G	S-D614G	
GH	C241T,C3037T,A23403G,G25563T	S-D614G + NS3-Q57H	
GR	C241T,C3037T,A23403G,G28882A	S-D614G + N-G204R	





---

**From:** 5.1.2e  
**Sent:** woensdag 30 september 2020 11:43  
**To:** 5.1.2e <5.1.2e@gmail.com>; 5.1.2e <5.1.2e@statiagov.com>  
**Cc:** 5.1.2e <5.1.2e@rivm.nl>  
**Subject:** RE: sequencing St. Eustatius

Beste 5.1.2e en 5.1.2e

Dir is dus één en dezelfde persoon die op 6 en 8 september is bemonsterd. Mijn interpretatie klopt?

Wij hebben beide afnames positief bevonden en beiden zijn in sequencing genomen.

Ik stuur vandaag een eerste beschouwing van de sequencing resultaten.

Met vriendelijke groeten,

5.1.2e

---

**From:** 5.1.2e <5.1.2e@gmail.com>  
**Sent:** dinsdag 29 september 2020 20:28  
**To:** 5.1.2e <5.1.2e@statiagov.com>; 5.1.2e <5.1.2e@rivm.nl>  
**Cc:** 5.1.2e <5.1.2e@rivm.nl>  
**Subject:** Re: sequencing St. Eustatius

Dank je wel 5.1.2e

Betreffende persoon heeft dan ook sample met RIVM no

5.1.1d

dat sample doet mee in de sequencing.

Hartelijke groet,

5.1.2e

On 9/29/2020 11:14 AM, 5.1.2e wrote:  
Beste 5.1.2e

We hebben het nagetrokken,  
op zondag 6 sept QBMC Lab # 5.1.1d PCR:negatief  
Op dinsdag 8 sept QBMC Lab # 5.1.1d PCR positief. Deze sample was ook naar SLS gestuurd en was  
positief : SLS lab # 5.1.1d  
Het betreft een laborant 5.1.2e geboren 5.1.2e

Graag verder aanwijzingen/advies over de interpretaties van de testen in QBMC lab

Groet,

5.1.2e

*Kind regards,*

5.1.2e

St.Eustatius Health Care Foundation/  
Public Health Department.  
St.Eustatius/Dutch Caribbean.  
Tel: +599 5.1.2e  
Mob:+599 5.1.2e

On Mon, Sep 28, 2020 at 4:15 PM 5.1.2e <5.1.2e@rivm.nl> wrote:

Beste 5.1.2e,

De sequenties zijn net van de machine af en worden nu geanalyseerd. Ik hoop binnenkort de resultaten te kunnen laten weten.

Ik had nog één openstaande vraag. 5.1.1d van jullie, 5.1.1d bij ons, was bij ons positief. Wat was PCR resultaat bij jullie en hoe past deze persoon in het cluster? Ook iemand van lab of familielid? Helaas had dit monster een te lage load voor sequencing. Maar epidemiologisch verband mogelijk interessant.

Met vriendelijke groeten,

5.1.2e

-----Original Message-----

From: 5.1.2e <5.1.2e@gmail.com>

Sent: maandag 28 september 2020 19:12

To: 5.1.2e <5.1.2e@rivm.nl>

Cc: 5.1.2e <@statiagov.com>; 5.1.2e <5.1.2e@rivm.nl>

Subject: sequencing St. Eustatius

Hi 5.1.2e,

Weet jij wanneer we uitslagen kunnen verwachten van sequencing van St. Eustatius? De interne evaluatie zou de informatie wsch goed kunnen gebruiken.

hartelijke groet,

5.1.2e

Dit bericht kan informatie bevatten die niet voor u is bestemd. Indien u niet de geadresseerde bent of dit bericht abusievelijk aan u is verzonden, wordt u verzocht dat aan de afzender te melden en het bericht te verwijderen. Het RIVM aanvaardt geen aansprakelijkheid voor schade, van welke aard ook, die verband houdt met risico's verbonden aan het elektronisch verzenden van berichten.

[www.rivm.nl](http://www.rivm.nl)<<http://www.rivm.nl>/> De zorg voor morgen begint vandaag

This message may contain information that is not intended for you. If you are not the addressee or if this message was sent to you by mistake, you are requested to inform the sender and delete the message. RIVM accepts no liability for damage of any kind resulting from the risks inherent in the electronic transmission of messages.

[www.rivm.nl/en](http://www.rivm.nl/en)<<http://www.rivm.nl/en>> Committed to health and sustainability

Dit bericht kan informatie bevatten die niet voor u is bestemd. Indien u niet de geadresseerde bent of dit bericht abusievelijk aan u is verzonden, wordt u verzocht dat aan de afzender te melden en het bericht te verwijderen. Het RIVM aanvaardt geen aansprakelijkheid voor schade, van welke aard ook, die verband houdt met risico's verbonden aan het elektronisch verzenden van berichten.

[www.rivm.nl](http://www.rivm.nl) De zorg voor morgen begint vandaag

This message may contain information that is not intended for you. If you are not the addressee or if this message was sent to you by mistake, you are requested to inform the sender and delete the message. RIVM accepts no liability for damage of any kind resulting from the risks inherent in the electronic transmission of messages.

[www.rivm.nl/en](http://www.rivm.nl/en) Committed to *health and sustainability*