



Het betreft een virusvariant met veranderingen in het spike proteïne die de binding waarschijnlijk versterkt, waarschijnlijk resulterend in een hogere R. Uit de moleculaire surveillance blijkt dat de proportie virussen met deze variant in de UK momenteel toeneemt. Het zijn relatief jonge leeftijdsgroepen die ermee zijn besmet, zodat het lastig is om te zeggen of hij ook tot ernstiger ziekte leidt. Daar zijn voornamelijk geen aanwijzingen voor maar wordt verder onderzocht. Er zijn wel problemen met bepaalde diagnostische (PCR) testen die het S-proteïne adresseren. Wat de eventuele invloed is op vaccine-efficacy is ook in het geheel nog niet bekend, maar mogelijk een punt van zorg.

Nederland heeft op advies van het RIVM m.i.v. vandaag besloten het vliegverkeer met de UK tot 1 januari te stoppen in afwachting van verder onderzoek. Het vrachtverkeer door de lucht en over de weg gaat nog wel gewoon door, evenals het personenvervoer via de trein en de boot. Het vliegverbod geldt ook voor de BES-eilanden, maar daarmee is natuurlijk geen rechtstreeks verkeer.

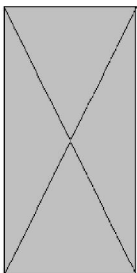
Is natuurlijk de vraag die 5.1.2e al stelde heel begrijpelijk: wat moeten de eilanden besluiten mbt personenverkeer uit de UK. We hebben in Nederland natuurlijk al met een verhoogde incidentie van doen en zitten niet te wachten op virussen die dit nog verergeren. We hebben deze variant tot dusverre 1 maal uit de moleculaire surveillance opgepikt, maar er zullen ongetwijfeld meer mensen in Nederland mee rond lopen, maar frequente introducties uit Engeland willen we liever niet; vandaar dit besluit in afwachting van verder onderzoek.

Ik denk dat ik voor de eilanden voor nu ook deze lijn zou willen volgen: de Engelsen die er zijn, zijn geen probleem, maar ook vanwege de snel stijgende proportie met deze variant zou ik voorlopig de vluchten met de UK stopzetten omdat ook jullie niet zitten te wachten op introductie. Zie in deze ook de strenge maatregelen die de Engelsen zelf nemen, ze nemen het wel degelijk zeer serieus.

Met vriendelijke groet,

5.1.2e

<https://virological.org/t/preliminary-genomic-characterisation-of-an-emergent-sars-cov-2-lineage-in-the-uk-defined-by-a-novel-set-of-spike-mutations/563>



## Preliminary genomic characterisation of an emergent SARS-CoV-2 lineage in the UK defined by a novel set of spike mutations - nCoV-2019 Genomic Epidemiology - Virological

Preliminary genomic characterisation of an emergent SARS-CoV-2 lineage in the UK defined by a novel set of spike mutations. Report written by: 5.1.2e 5.1.2e 1, Nick Loman 2, Oliver Pybus 3, Wendy Barclay 4, Jeff Barrett 5, Alesandro Carabelli 6, Tom Connor 7, Tom Peacock 4, David L Robertson 8, Erik Volz 4, on behalf of COVID-19 Genomics Consortium UK (CoG-UK) 9.

virological.org



5.1.2e 5.1.2e 5.1.2e 5.1.2e 5.1.2e  
5.1.2e

Rijksinstituut voor Volksgezondheid en Milieu (RIVM), Landelijke Coördinatie Infectieziektebestrijding (LCI)  
Antonie van Leeuwenhoeklaan 9 | 3721 MA | Bilthoven  
Postbus 1 | 3720 BA | Bilthoven

030 5.1.2e Mob. 5.1.2e Kamer 5.1.2e  
5.1.2e @rivm.nl | www.rivm.nl