

To: (10)(2e) (10)(2e) @rivm.nl
Cc: (10)(2e) (10)(2e) (10)(2e) @minvws.nl; (10)(2e) (10)(2e) @minvws.nl; (10)(2e)
 (10)(2e) (10)(2e) @minvws.nl
From: (10)(2e)
Sent: Wed 2/26/2020 9:52:42 AM
Subject: RE: Chinees onderzoek SARS-related coronaviruses in humanized mice

Ha (10)(2e),

(10)(2e) is inmiddels met vakantie (en ik ben sinds vandaag weer terug) en ik vroeg me af wat de laatste stand van zaken is met betrekking tot onderstaande mail. Kun jij me meer vertellen?

Hartelijke groet,

(10)(2e)

Van: (10)(2e) <(10)(2e)@minvws.nl>

Verzonden: vrijdag 14 februari 2020 09:06

Aan: (10)(2e) <(10)(2e)@rivm.nl>

CC: (10)(2e) <(10)(2e)@minvws.nl>; (10)(2e) <(10)(2e)@minvws.nl>; (10)(2e)
 <(10)(2e)@minvws.nl>

Onderwerp: FW: Chinees onderzoek SARS-related coronaviruses in humanized mice

Ha (10)(2e),

Zie hieronder. Kunnen jullie beoordelen of deze mail nuttige info bevat?

Eens dat ik deze meneer dan meld dat ik de mail aan rivm heb doorgeleid en dat jullie contact zoeken mocht hier aanleiding voor zijn?

Groet (10)(2e)

Verzonden met BlackBerry Work
www.blackberry.com

Van: Jaap van Etten <(10)(2e)@datenna.com>

Datum: dondag 13 feb. 2020 11:30 PM

Aan: (10)(2e) <(10)(2e)@minvws.nl>

Onderwerp: Chinees onderzoek SARS-related coronaviruses in humanized mice

Geachte mevrouw van den (10)(2e) Beste (10)(2e),

Ik val met de deur in huis: indien virologen weten dat het virus man-made kan zijn, helpt dit met de bestrijding er van?

Ik had details van (10)(2e) via contacten bij RVO/EZK (die gaven al aan dat ze mogelijk al haar out-of-office aan zou hebben en dat bleek ook het geval). Als voormalig Nederlands diplomaat opereer ik tegenwoordig een data-bedrijf (Datenna) volledig gericht op China (we volgen al het onderzoek en industrie in China).

Het was al bekend dat China onderzoek deed naar corona-virussen op basis van journal publications, maar toch is het mogelijk zinvol om te weten dat met daar mee doorgedaan is (zie onder aan mail voor voorbeeld/uitleg in het Engels).

(10)(2a)

Ik wil benadrukken dat wij *geen* oproer willen veroorzaken. Ook is het nadrukkelijk *niet* ons doel - en *niet* onze wens - om hiermee als bedrijf in het nieuws te komen. Ik wil enkel voorkomen dat ik over een maand denk: "Had ik het maar ergens gemeld." Het kan goed zijn dat de betrokken onderzoekers informatie achterhouden uit angst voor repercussies en dat we kostbare tijd verliezen die gebruikt kan worden om quarantaine maatregelen aan te scherpen en de ontwikkeling van een vaccin te versnellen. Mogelijk kunnen jullie bij de Chinese onderzoekers gericht vragen stellen en zo wel bepalen wat er mogelijk wel of niet fout gegaan is.

Ik hoop dus enkel dat een viroloog simpel even een blik kan werpen en zeggen of het wel of geen nuttige info is. Eventueel kunnen we (kosteloos) meer data uit ons data-platform leveren (of een tijdelijk account aarmaken) over recent onderzoek in China.

Groet,
Jaap

p.s. Ik heb ook bij een contact bij de Commissie aangeklopt, maar die is deze week nog op zakenreis. Ook uw collega (10)(2e) heb ik gemaild alvorens ik uw email adres kreeg. Hierna ga ik geen mensen meer mailen, omdat onze informatie mogelijk ook een storm in een glas water is en ik onnodig mensen loop te belasten door ze te mailen.

Beschrijving (machine translated) van een van de onderzoeken gesubsidieerd en gestart aan de Wuhan Institute of Virology, CAS (looptijd 2019-2021):

Bats harbor genetically diverse SARS-related coronaviruses (SARSr-CoV). Recently, we have discovered two novel bat SARSr-CoVs, namely Rs4231 and Rs4874. These two strains share high sequence similarity with previously identified RsSHC014 and WIV1 in the receptor-binding domain (RBD) of spike protein, respectively, but are highly similar to SARS-CoV in the N-terminal domain, representing two novel genotypes. They have been demonstrated to be able to use the functional receptor of SARS-CoV, ACE2, and pose potential risk for cross-species infection. In the proposed project, we plan to construct two chimeric viruses with the backbone of SARSr-CoV WIV1 and the S gene of Rs4231 and Rs4874, respectively, and infect human ACE2-expressing transgenic mice to more accurately and intensively assess the risk of causing human diseases of the two newly identified SARSr-CoVs. The contribution of the variation in the S gene to the pathogenicity of SARSr-CoV will also be investigated. Besides, due to the failure of cross protection of the monoclonal antibodies for SARS-CoV against infection of SARSr-CoV RsSHC014, we will produce monoclonal antibodies for RsSHC014 RBD and test the neutralization effects to different SARSr-CoVs and the protection in humanized mice. The outcome of this study will lay foundation for the prevention and therapeutics of SARS-like coronavirus disease of bat origin.

Jaap van Etten

CEO

Email: (10)(2e)@datenna.com

Mobile (NL): (10)(2e)

LinkedIn: www.linkedin.com/in/jaapvanetten/

Datenna

China Industry & Innovation Intelligence

www.datenna.com

Office (NL)

Bogert 1, 2/F

5612LX, Eindhoven

Netherlands

This message contains confidential information and is intended only for the individual named. If you are not the named addressee you should not disseminate, distribute or copy this e-mail. Please notify the sender immediately by e-mail if you have received this e-mail by mistake and delete this e-mail from your system. E-mail transmission cannot be guaranteed to be secure or error-free as information could be intercepted, corrupted, lost, destroyed, arrive late or incomplete, or contain viruses. The sender therefore does not accept liability for any errors or omissions in the contents of this message, which arise as a result of e-mail transmission. Datenna is a registered trademark of Datenna Holding BV.

The image shows a screenshot of a web application interface. On the left, there is a dark blue vertical sidebar containing several icons: a red and white striped circle, a yen symbol (¥), a graduation cap, a person icon, a location pin, a star, a document, and a question mark. The main content area is mostly black, with the text "(10)(1c)" centered in the middle. At the bottom, there is a white section with a dark blue header labeled "Publications". Below this header is a table with two columns: "Title" and "Authors". The table is currently empty, with the text "No data available" centered in the row below the header.

Title	Authors
No data available	

